

**Nutzungsordnung für Massenspektrometrie-Serviceleistungen
der Arbeitsgruppe (AG) Mikrobielle Physiologie und Molekularbiologie (Institut für
Mikrobiologie, Universität Greifswald)**

Vom 26.08.2026

Aufgrund von § 91 Abs. 1 des Gesetzes über die Hochschulen des Landes Mecklenburg-Vorpommern (Landeshochschulgesetz – LHG M-V) in der Fassung der Bekanntmachung vom 25. Januar 2011 (GVOBl. M-V S. 18), zuletzt geändert durch Gesetz vom 12. Juni 2026 (GVOBl. M-V S. 569), erlässt der Fakultätsrat der Mathematisch-Naturwissenschaftlichen Fakultät der Universität Greifswald die folgende Nutzungsordnung für Massenspektrometrie-Serviceleistungen der Arbeitsgruppe (AG) Mikrobielle Physiologie und Molekularbiologie als Satzung:

Inhalt

§ 1 Geltungsbereich

§ 2 Angebotene Leistungen und Zielgruppen

§ 3 Gerätetechnische Ausstattung

§ 4 Verfahren zur Nutzung des zentralen Dienstes

§ 5 Verwertungsrechte und Publikationen

§ 6 Datenverarbeitung, -übergabe und -archivierung

§ 7 Verantwortlichkeiten / Wissenschaftliche und technische Ansprechpartner

§ 8 Nutzungszeiten

Anhang: I Entgeltordnung, II *order sheet*

§ 1 Geltungsbereich

Die Arbeitsgruppe (AG) Mikrobielle Physiologie und Molekularbiologie am Institut für Mikrobiologie der Universität Greifswald betreibt hochauflösende Massenspektrometer primär zur Unterstützung eigener Forschungsprojekte. Außerhalb der eigenen Gerätenutzung bietet die AG kapazitätsabhängig Serviceleistungen im Bereich der Peptid- und Proteomanalyse an (im Folgenden: Serviceleistungen). Diese Serviceleistungen werden im Rahmen der Forschungstätigkeit der AG erbracht und sind keine zentralen Core-Facility-Dienstleistungen. Diese Nutzungsordnung regelt die Inanspruchnahme, die Abwicklung und die Abrechnung dieser Serviceleistungen. Sie ist für alle Nutzer*innen der Serviceleistungen verbindlich.

§ 2 Angebotene Leistungen und Zielgruppen

Die angebotenen Leistungen umfassen Beratungen zu möglichen Analysemethoden und Probenvorbereitungen, massenspektrometrische Analysen sowie eine bioinformatische Auswertung von Rohdaten in unterschiedlichem Umfang.

Die angebotenen Beratungs- und Analysedienstleistungen richten sich primär an interne Arbeitsgruppen der Universität Greifswald sowie an wissenschaftliche Kooperationspartner externer Forschungseinrichtungen. Bei ausreichender Geräteverfügbarkeit und nach individueller Vereinbarung können die Dienstleistungen auch von Firmen und industriellen Partnern in Anspruch genommen werden. Hieraus ergeben sich drei Kategorien von Nutzer*innen, die sich in der Entgeltordnung widerspiegeln (für exakte Definition siehe Anhang):

- 1) Interne Nutzer*innen der Universität Greifswald
- 2) Externe Nutzer*innen im Rahmen nicht-wirtschaftlicher Forschungs Kooperationen
- 3) Sonstige externe Nutzer*innen

§ 3 Technische Ausstattung und Analyse-Portfolio

Gerät	Analysebereich	Spezifische Analysen
Q Exactive HF + Easy-nLC 1200	Proteomanalyse mit Quantifizierung	DDA, DIA (unmarkiert) oder SILAC, iTRAQ, TMT (markiert). Zielgerichtete Quantifizierung (PRM) nach Absprache.
MALDI-TOF/TOF 5800	schnelle Massenanalyse & MS/MS	Protein-Identifikation (Gelbanden, -spots, Eluate). Massen-Fingerprinting (z.B. für Polymer- oder Peptid-Qualitätskontrolle).

§ 4 Verfahren zur Nutzung des zentralen Dienstes

4.1 Versuchsplanung und Beratung

Vor der Beauftragung von Messungen ist eine wissenschaftliche Rücksprache mit dem Personal der AG erforderlich. Dies umfasst die Abstimmung der Versuchsplanung, Probenvorbereitung und die Klärung der zu beantwortenden biologischen/chemischen Fragestellung(en).

4.2 Probenanmeldung

- **Order sheet:** Nutzer*innen müssen das *order sheet* (siehe Anhang) vollständig ausfüllen.
- **Probenanlieferung:** Proben zur Analyse werden nur nach vorheriger Terminvereinbarung und zusammen mit einem ausgefüllten „Order-Sheet“ von den verantwortlichen AG-Mitarbeiter*innen persönlich entgegengenommen oder nach Absprache an diese per Post/Kurierdienst gesandt.

4.3 Durchführung und Datenmanagement

- **Gerätebedienung:** Die Bedienung der Massenspektrometer und der LC-Systeme erfolgt ausschließlich durch das dafür qualifizierte Personal der AG.

4.4 Abrechnung

Bei reinen Serviceleistungen, bei denen die AG lediglich die Analytik durchführt und die Ergebnisse übergibt, ohne eigene wissenschaftliche Beteiligung, basieren die Kosten auf der Entgeltordnung (siehe Anhang). Bei internen Nutzenden muss/müssen die zu belastende/n Kostenstelle/n der AG vorab mitgeteilt werden. Die Kosten für externe Partner der Nutzer*innengruppen II) und III) basieren ebenfalls auf der Entgeltordnung und werden dem Partner nach der Serviceleistung in Rechnung gestellt. Grundlage hierfür ist ein im Einzelfall abzuschließender Kooperationsvertrag (bei wissenschaftlichen Kooperationen) bzw. Auftrag. In diesem werden auch die Nutzungsrechte an den Ergebnissen verbindlich geregelt.

Bei Serviceleistungen im Rahmen interner und externer (nicht-wirtschaftlicher) wissenschaftlicher Kooperationen sind zudem die Hinweise zu den Publikationen (Punkt 5) zu beachten.

§ 5 Publikationen

Wenn Mitglieder der AG Mikrobielle Physiologie und Molekularbiologie aktiv an der Versuchsplanung, Probenvorbereitung, Datenakquise und insbesondere der wissenschaftlichen Interpretation und bioinformatischen Analyse beteiligt sind, sind neben der rein finanziellen Abrechnung der Serviceleistung die Richtlinien der DFG zu wissenschaftlichen Beiträgen zu beachten und im Falle von Publikationen Autorenschaften zu berücksichtigen.

§ 6 Datenverarbeitung, -übergabe und -archivierung

Die Ergebnisse der Analysen werden nach Abschluss der Arbeiten übergeben. Die Sicherung der Rohdaten erfolgt projektbezogen entsprechend den DFG-Richtlinien. Die Nutzer*innen sind für die Sicherung der ihnen übergebenen prozessierten Daten selbst verantwortlich.

§ 7 Verantwortlichkeiten / Wissenschaftliche und technische Ansprechpartner

Alle Nutzer*innen verpflichten sich, die DFG Leitlinien zur Sicherung einer guten wissenschaftlichen Praxis sowie die internen Sicherheits- und ethischen Vorgaben der AG und der Universität Greifswald einzuhalten.

Bei Interesse an einer Nutzung der Servicedienstleistung ist zunächst Kontakt mit der AG-Leitung aufzunehmen. Für die detaillierte Absprache zur geplanten Analyse sowie für die Probenübergabe sind die verantwortlichen Personen der Webseite der AG zu entnehmen: <https://mikrobiologie.uni-greifswald.de/ressourcen/proteomics-technologieplattform/ms-service/>

§ 8 Nutzungszeiten

Die möglichen Nutzungszeiten der Geräte sind abhängig von freien Kapazitäten außerhalb eigener Forschungsarbeiten der AG und können bei der AG-Leitung erfragt und individuell abgesprochen werden. Bei über die verfügbare Nutzungszeit hinausgehenden Anfragen werden die eingegangenen Anfragen wie folgt priorisiert: (I) interne Nutzer der Universität Greifswald; (II) externe Nutzer im Rahmen von Forschungsk Kooperationen; (III) sonstige externe Nutzer

§ 9 Inkrafttreten

Diese Nutzungsordnung tritt am Tag nach ihrer fakultätsöffentlichen Bekanntmachung in Kraft.

Anhang: I Entgeltordnung, II *order sheet*

Ausgefertigt aufgrund des Beschlusses des Fakultätsrates der Mathematisch-Naturwissenschaftlichen Fakultät vom 26.08.2026 und nach Stellungnahme des Senats der Universität Greifswald am 16.09.2026

Greifswald, den 24.09.2026

Der Dekan
der Mathematisch-Naturwissenschaftlichen Fakultät der Universität Greifswald
Universitätsprofessor Dr. Matthias Eschrig

Veröffentlichungsvermerk: Hochschulöffentlich bekannt gemacht am ...

Anhang

I Entgeltordnung (Nutzungsgebühren)

Die erhobenen Gebühren basieren auf den aktuellen DFG-Richtlinien für Gerätezentren und dienen der kostendeckenden Verrechnung der direkt der jeweiligen Serviceleistung zuordenbaren Betriebskosten der Geräte.

a. LC-MS/MS-Analysen (Thermo Q Exactive HF)

Diese Gebühren umfassen die Gerätenutzung (exklusive Probenvorbereitung) und die Basis-Datenbanksuche (Bioinformatik).

Leistung	Entgeltgruppe 1 ^a	Entgeltgruppe 2 (ggf. zzgl. der gesetzlichen Ust.) ^a	Entgeltgruppe 3 (ggf. zzgl. der gesetzlichen Ust.) ^a
Basisidentifikation wenig komplexer Proben (2h LC-MS/MS) + Basis-Bioinformatik	72 € / Probe	80 € / Probe	120 € / Probe
Komplexe Proteomanalyse (4h LC-MS/MS) + Basis-Bioinformatik	90 € / Probe	100 € / Probe	150 € / Probe
Zielgerichtete Quantifizierung spezifischer Peptide (PRM-Analyse)	125 € / Probe	135 € / Probe	200 € / Probe

b. MALDI-TOF/TOF-Analysen (AB Sciex 5800)

Leistung	Entgeltgruppe 1 ^a	Entgeltgruppe 2 (ggf. zzgl. der gesetzlichen Ust.) ^a	Entgeltgruppe 3 (ggf. zzgl. der gesetzlichen Ust.) ^a
MALDI Basis-Spektrum (MS ¹)	25 € / Probe	35 € / Probe	50 € / Probe
MALDI-TOF/TOF-Analyse (MS ²)	30 € / Probe	39 € / Probe	60 € / Probe

c. Wissenschaftliche Unterstützung und individuelle Arbeiten

Diese Gebühren fallen zusätzlich an, wenn erweiterte wissenschaftliche Expertise, Materialien und/oder spezielle manuelle Tätigkeiten erforderlich sind.

Leistung	Entgeltgruppe 1 ^a	Entgeltgruppe 2 (ggf. zzgl. der gesetzlichen Ust.) ^a	Entgeltgruppe 3 (ggf. zzgl. der gesetzlichen Ust.) ^a
Erweiterte bioinformatische Auswertung (z. B. Quantifizierung, Annotation, Statistik, Visualisierung)	55 € / h	55 € / h	90 € / h
Individuelle Probenvorbereitung (enzymatischer Verdau)	31 € / Probe	31 € / Probe	45 € / Probe
Individuelle Probenvorbereitung (enzymatischer Verdau und Fraktionierung komplexer Proben)	50 € / Probe	50 € / Probe	70 € / Probe

^a**Entgeltgruppe 1:** Institute der Universität Greifswald; **Entgeltgruppe 2:** Universitätsmedizin Greifswald und andere öffentlich finanzierte Forschungseinrichtungen (insbesondere andere Universitäten, Universitätsmedizinen und institutionell geförderte außeruniversitäre Forschungseinrichtungen); **Entgeltgruppe 3:** Öffentlich finanzierte Forschungseinrichtungen und Universitätsmedizinen, wenn die Nutzung der Geräte im Rahmen wirtschaftlicher Tätigkeiten der Nutzer*innen erfolgt; sonstige externe Auftraggeber, insbesondere kommerzielle Einrichtungen

II Order sheet

Researcher			Date submitted:		
Institute			Tel.:		
Address			E-mail:		
Sample information					
Project:					
Number of samples:	<i>Please provide a list with the sample names/identifier for the measurement batch!</i>				
Sample origin:					
Label? (SILAC, TMT...)	☐ NO		☐ Yes/specify:		
supplied as:	☐ Ready to measure				
	Protein concentration determination (incl. method):		[µg/µl]:		
	Sample preparation method:				
	Enzyme used for proteolytic digest:				
	Sample cleanup:				
Digestion required:	☐ No	☐ Trypsin	☐ Tryp/LysC:	☐ Other/specify:	
Type of MS requested:	☐ QExactive HF	☐ MALDI-ToF 5800			
MS data acquisition:	☐ DDA	☐ DIA			
Data analysis:	☐ Identification	☐ Quantification/specify:			
DB search:	☐ NO	☐ Yes			
If "yes" please fill in:	Organism:				
	Database:				
	Modification:				
	☐ Other/specify:				
Comments/ Special requests					
Database provided:	☐ NO		☐ Yes/specify:		
Samples search:	☐ as batch		☐ each as single	☐ Other/specify:	
Result format:	☐ Raw-Data		☐ Other/specify:		
Raw Data conversion:					
Were there similar samples analysed in our lab before?	☐ NO		☐ Yes		
If "yes" please provide details:					
Filled by MS-operator only					
MS-Operator:			MS instrument:		
Column type:			Column temperature:		
LC gradient:			MS runtime:		
Analysis date:			Storage of search results:		
Comments by analysers					
Signature:					